

CARATTERIZZAZIONE GENETICA

Marcatori	Capi	Alleli		Genotipi		
	N.	G	A	GG	GA	AA
FOXN3	30	68%	32%	47%	43%	10%
	Capi	Alleli		Genotipi		
	N.	a	b	aa	ab	bb
QTL2 (HphI)	30	10%	90%	0%	20%	80%
	Capi	Alleli		Genotipi		
	N.	a	b	aa	ab	bb
QTL1 (Bfal)	30	95%	5%	93%	3%	3%

Legenda:

- QTL associati al fenotipo hairless (o ipotricosi) caratteristico di questa razza. Il primo marcatore, è un SNP (ALGA0044817). Il secondo marcatore è un SNP nel gene FOXN3. Il terzo marcatore è un SNP (ALGA0084906).

INBREEDING GENOMICO

Capi	FROH		ROH N.		ROH (kb) Lunghezza	
	Media	d.s.	Media	d.s.	Media	d.s.
8	0,31	0,11	55,75	13,01	13634,2	4388,31

Legenda:

- Consanguineità genomica stimata individuando regioni genomiche omozigoti, dette Runs Homozygosity (ROH). Il coefficiente di consanguineità genomico, FROH, si basa sulla percentuale del genoma autosomico di ROH in un animale (somma ROH > 1000 kb). Gli animali sono stati genotipizzati con pannello SNPChip 70 K.