

CARATTERIZZAZIONE GENETICA

Marcatore	Capi	Alleli		Genotipi		
		C	T	CC	CT	TT
KIT C>T	96	3%	97%	0%	6%	94%

Legenda:

- Marcatore KIT C>T (indicato anche con la nomenclatura definita dalla posizione precisa sul cromosoma 8 di suino, nella versione 10.2 del genoma di Sus scrofa: g.43597545C>T). L'allele T è associato alla caratteristica cinghiatura di questa razza.

INBREEDING GENOMICO

Capi	FROH				ROH N.				ROH (kb) Lunghezza			
	N.	Media	d.s.	min	max	Media	d.s.	min	max	Media	d.s.	min
37	0,2	0,06			59,49	10,16			8204,57	2233,56		

Legenda:

- Consanguineità genomica stimata individuando regioni genomiche omozigoti, dette Runs Homozygosity (ROH). Il coefficiente di consanguineità genomico, FROH, si basa sulla percentuale del genoma autosomico di ROH in un animale (somma ROH>1000 kb). Gli animali sono stati genotipizzati con pannello SNPChip 70 K.